

(講座) 分子創薬科学 (研究室) 薬品生物工学
(氏名) 中嶋 義隆 (職名) 助教

【研究テーマ】

1. X線結晶学を用いたアミノペプチダーゼの構造と機能に関する研究
2. X線結晶学を用いた脱水素酵素の構造と機能に関する研究

【論文発表】

A 欧文

(A-a) 原著論文

1. Nakashima, K., Ito, K., Nakajima, Y., Yamazawa, R., Miyakawa, S., and Yoshimoto, T. (2009) Closed complex of the D-3-hydroxybutyrate dehydrogenase induced by an enantiomeric competitive inhibitor. *J. Biochem.* **145**(4), 467-479 [IF: 1.878]
2. Fournié-Zaluski, M.C., Poras H., Roques, B.P., Nakajima, Y., Ito, K., and Yoshimoto, T. (2009) Structure of aminopeptidase N from *Escherichia coli* complexed with the transition-state analogue aminophosphinic inhibitor PL250. *Acta Crystallogr. D Biol. Crystallogr.* **65**, 814-822 [IF: 2.943]

B 邦文

(B-b) 総説

1. 伊藤潔, 中嶋義隆, 田中信忠, 芳本忠: ペプチド最終分解系に関与するエキソペプチダーゼの構造と機能: 生化学会誌 81 巻 1 号 5-16 (2009)

【学会発表】

B 国内学会

(B-a) 招待講演, 特別講演, 受賞講演

1. 中嶋義隆 「X線結晶構造解析を用いた感染菌由来プロリン特異的ペプチダーゼの基質認識機構に関する研究」平成21年度日本生化学会九州支部学術奨励賞受賞講演

(B-b) 一般講演

1. 伊藤潔、中嶋義隆、中島可奈子、山澤龍治、宮川俊介、芳本忠: 「D-3-ヒドロキシ酪酸脱水素酵素変異体のX線結晶構造解析」日本薬学会第129年会
2. 中嶋義隆、山澤龍治、伊藤潔、川南裕、辻裕二、北林雅夫、西谷芳昭、芳本忠: 「FAD依存型グルコース脱水素酵素X線結晶学的研究」日本薬学会第129年会
3. 中嶋義隆、伊藤潔、山澤龍治、川南裕、辻裕二、北林雅夫、西谷芳昭、芳本忠: 「FAD依存型D-グルコース脱水素酵素の結晶構造」平成21年度日本生化学会九州支部例会
4. 中嶋義隆、伊藤潔、山澤龍治、川南裕、辻裕二、北林雅夫、西谷芳昭、芳本忠: 「FAD依存型グルコース脱水素酵素の結晶構造」第9回日本蛋白質科学会(2009年熊本)
5. 中嶋義隆、伊藤潔、山澤龍治、川南裕、辻裕二、北林雅夫、西谷芳昭、芳本忠: 「FAD依存型グルコース脱水素酵素の結晶構造」第82回日本生化学会大会

6. 山澤龍治、中嶋義隆、宮川俊介、伊藤潔、芳本忠：「D-3-ヒドロキシ酪酸脱水素酵素の Thr190 変異体の構造解析」第 82 回日本生化学会大会
7. 藤村ともみ、田中祐輔、中嶋義隆、伊藤潔、芳本忠：「大腸菌アミノペプチダーゼ N 変異体の解析」第 16 回日本生物工学会九州支部飯塚大会（2009）
8. 松下隼士、山下絹代、黒川裕美、中嶋義隆、伊藤潔、芳本忠：「クレアチニナーゼ変異体における基質結合ループの構造変化」第 16 回日本生物工学会九州支部飯塚大会（2009）
9. 古賀恒光、伊東ともみ、中嶋義隆、伊藤潔、芳本忠：「大腸菌で生産したペプチドを用いたプロリン特異性ペプチダーゼの基質特異性の解析」第 26 回日本薬学会九州支部大会
10. 宮川俊介、山澤龍治、中嶋義隆、伊藤潔、芳本忠：「D-3-ヒドロキシ酪酸脱水素酵素の構造変化に関わるアミノ酸残基の変異体の構造解析」第 26 回日本薬学会九州支部大会

【過去の研究業績総計】

原著論文（欧文）	29 編	（邦文）	編
総説（欧文）	編	（邦文）	2 編
著書（欧文）	編	（邦文）	1 編
紀要（欧文）	編	（邦文）	編
特許	件		